

Зоологический институт Российской академии наук
Санкт-Петербургский государственный университет
Московский государственный университет им. М.В. Ломоносова
Русское энтомологическое общество
Российский фонд фундаментальных исследований

II Симпозиум стран СНГ по перепончатокрылым насекомым

Россия, Санкт-Петербург, 13–17 сентября 2010 г.

8-й Коллоквиум

**Российской секции Международного союза исследователей
общественных насекомых (IUSSI)**

Россия, Санкт-Петербург, 18–19 сентября 2010 г.

Программа и тезисы докладов



**Санкт-Петербург
2010**

**Информативность полиморфизма мт-ДНК медоносной пчелы
Apis mellifera L. (Hymenoptera: Apidae)**

в популяционно-генетических исследованиях

А.Г. Николенко, Р.А. Ильясов, А.В. Поскряков

**Informing of polymorphism of mt-DNA honeybee *Apis mellifera* L.
(Hymenoptera: Apidae) in population-genetic researches**

A.G. Nikolenko, R.A. Ilyasov, A.V. Poskryakov

Институт биохимии и генетики УНЦ РАН, Уфа, Россия. E-mail: a-nikolenko@yandex.ru

Зональные перемещения пчел, скрещивание разных подвидов в программах улучшения и размножения привели к потере некоторых полезных свойств генофонда. За последние 60–70 лет во многих регионах России и странах Западной Европы произошла (и происходит) массовая гибридизация пчел, что привело к необратимым процессам, препятствующим восстановлению исходного местного генофонда. В результате сильно пострадала среднерусская пчела, которая практически исчезла в некоторых местах ее традиционного разведения (Черевко, 2005; Кривцов, 2000, 2008).

Тем не менее в России еще сохранились резервы генофонда *A. m. mellifera* L., которые можно использовать для восстановления популяции на границах его естественного ареала (Билаш, 1991; Лебедев, Билаш, 1991; Кривцов, 2005). Одной из наиболее известных популяций темной лесной пчелы является башкирская, фактические данные о состоянии генофонда которой публиковались в последнее десятилетие лишь несколькими авторами. В 2000 г. на основе анализа полиморфизма межгенного локуса COI-COII мтДНК и морфометрических данных на территории Башкортостана показано существование лишь одной сохранившейся аборигенной бурзянской популяции *A. m. mellifera* (Саттаров, Николенко, 2000; Николенко, Поскряков, 2002). В дальнейшем поиск сохранившихся резерватов генофонда этого подвида был продолжен, и на севере республики (Татышлинский район) была обнаружена еще одна локальная популяция *A. m. mellifera* (Ильясов и др., 2006). Мы предположили, что ареал северной популяции *A. m. mellifera* республики может быть шире (Шареева и др., 2009).

Для сохранения генофонда ценного подвида *A. m. mellifera* как в России, так и в Республике Башкортостан, необходимо иметь несколько генетических резерватов, располагать информацией об их популяционно-генетической структуре и границах ареалов составляющих его локальных популяций (Николенко, Поскряков, 2002).